

Plataforma de Microbiología Clínica

Maripaz Ventero Martín, Juan Carlos Rodríguez Díaz
Grupo: Enfermedades infecciosas

ISABIAL- HGUA Dr. Balmis. Ventero_marmar@gva.es, rodriguez_juadia@gva.es

Microbiología Clásica

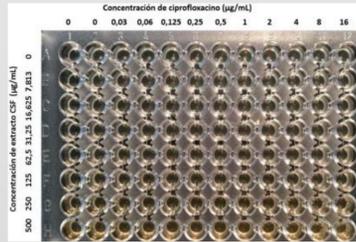
- Evaluación in vitro de la actividad antibiótica
- Diagnóstico rápido de patologías infecciosas
- Identificación molecular de bacterias y hongos

Artículos más relevantes publicados en esta línea

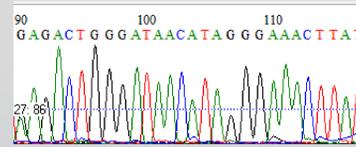
scientific reports

OPEN The antimicrobial capacity of *Cistus salviifolius* and *Punica granatum* plant extracts against clinical pathogens is related to their polyphenolic composition

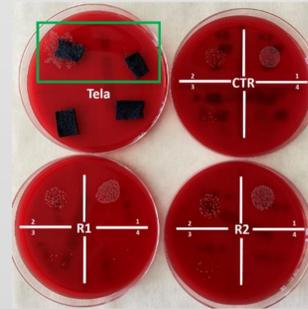
Francisco Javier Alvarez-Martinez¹, Juan Carlos Rodríguez², Fernando Borrás-Rocher³, Enrique Barrajón-Catalán^{1,2} & Vicente Mico^{1,2,4,5}



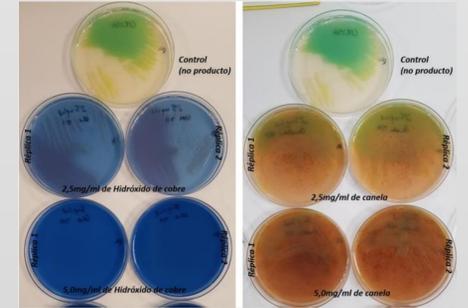
Ensayos por microdilución (medio líquido)



Secuenciación r16S y 18S (ITS)



Ensayos de diferentes materiales (medio sólido)



Preparación de diferentes medios sólidos con los productos a testar

Microbiología Molecular

- Microbioma. Análisis de diversidad y taxonomía
- Viroma: Panel dirigido a la detección de aprox. 1000 virus patógenos humanos

Artículos más relevantes publicados en esta línea

frontiers in Microbiology

Nasopharyngeal Microbial Communities of Patients Infected With SARS-CoV-2 That Developed COVID-19

Maria Paz Ventero¹, Rafael R. C. Cuadrat², Inmaculada Vidal¹, Bruno G. N. Andrade^{3,4}, Carmen Molina-Pardines⁵, Jose M. Haro-Moreno⁶, Felipe H. Coutinho⁷, Esperanza Merino⁸, Luciana C. A. Rogitiano⁹, Cynthia B. Silveira⁹, Hatthem Abi¹⁰, Mario López-Pérez¹¹ and Juan Carlos Rodríguez¹²

Journal of Infection 84 (2022) 329–336

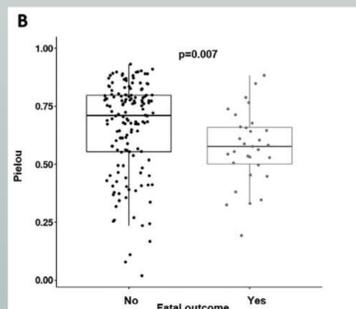
Contents lists available at ScienceDirect

Journal of Infection

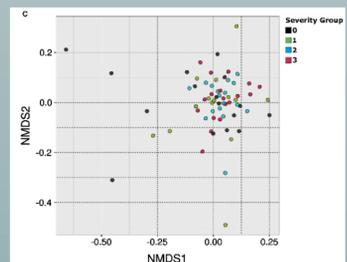
Journal homepage: www.elsevier.com/locate/jinf

Nasopharyngeal Microbiota as an early severity biomarker in COVID-19 hospitalised patients

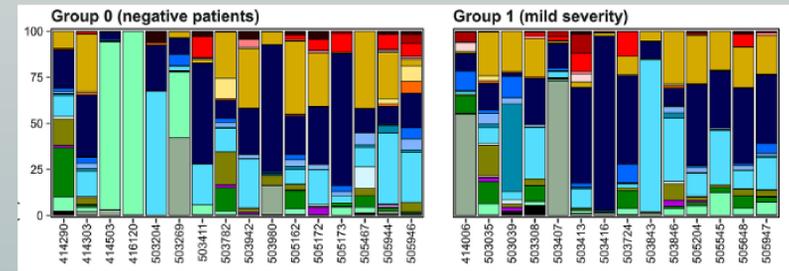
Maria Paz Ventero^{1,2}, Oscar Moreno-Perez^{3,4,5}, Carmen Molina-Pardines^{6,7}, Andreu Paytufi-Gallart^{8,9}, Vicente Boix¹⁰, Isabel Escribano¹¹, Irene Galan¹², Pilar González-delaIleja¹³, Mario López-Pérez¹⁴, Rosario Sánchez-Martínez¹⁵, Esperanza Merino¹⁶, Juan Carlos Rodríguez^{17,18}



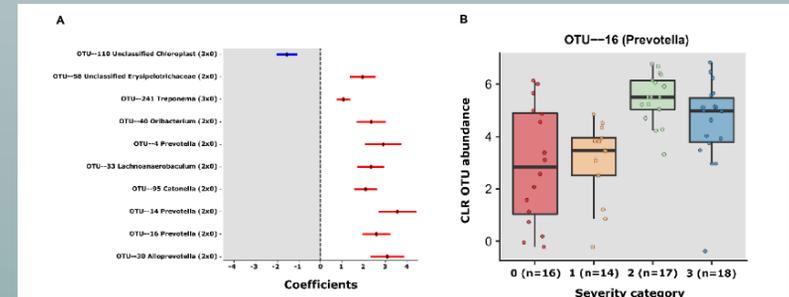
Análisis de diversidad α : índices Shannon, Pielou, Chao1...



Análisis de diversidad β : UniFrac, Bray-Curtis, PCoA...



Asignación taxonómica con diferentes bases de datos y análisis de abundancia relativa



Búsqueda de géneros diferencial entre grupos

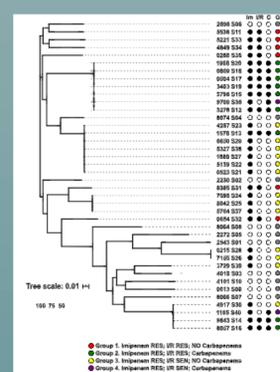
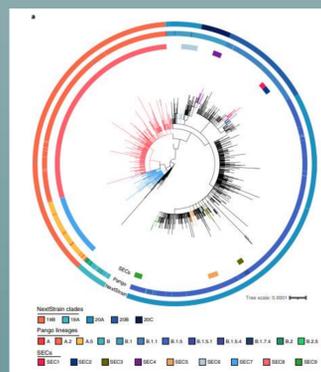
- Genomas completos: Bacterias multirresistentes - SARS CoV 2
- Tipado de microorganismos: *Clostridioides difficile*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Klebsiella pneumoniae*... (MLST, gMLST)

Artículos más relevantes publicados en esta línea

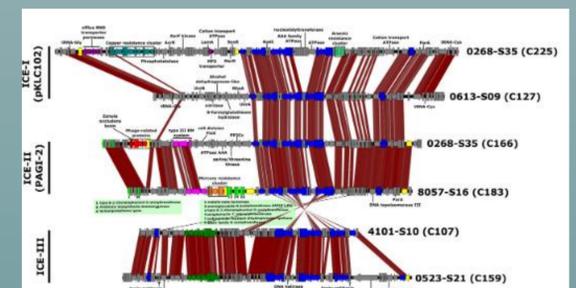
AMERICAN SOCIETY FOR MICROBIOLOGY | mSphere

Genomic Characterization of Impipenem- and Impipenem-Relebactam-Resistant Clinical Isolates of *Pseudomonas aeruginosa*

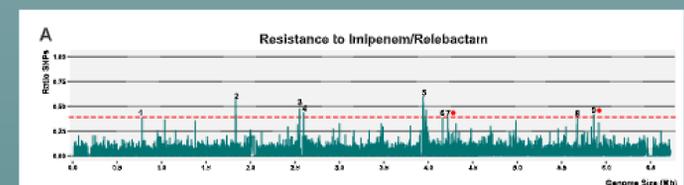
Mario López-Pérez¹, Jose M. Haro-Moreno², Carmen Molina-Pardines³, Maria Paz Ventero⁴, Juan Carlos Rodríguez⁵



Estudios de filogenia vírica y bacteriana



Análisis de elementos móviles



Búsqueda de SNPs